

# LISTE DE SEQUENCES

<110> I.N.S.E.R.M.

<120> Moyens pour la régulation de la différenciation  
hématopoïétique

<130> 1113

<140>

<141>

<160> 3

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 21

<212> ADN

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description de la séquence artificielle:  
primer\_bind

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: primer\_bind

<400> 1

catgacaagg cctggcttcg a

21

<210> 2

<211> 21

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence artificielle:  
primer\_bind

<400> 2

ggcgctccca cctgtagaac a

21

<210> 3

<211> 33

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence  
artificielle:primer\_bind

<400> 3

tggacacac tggagctgga cgtgcgcga ttt

33

<210> 4

<211> 33

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence  
artificielle:primer\_bind

<400> 4

attgcagagc cagggctggg gagcagtcac agt

33

<210> 5

<211> 23

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence  
artificielle:primer\_bind

<400> 5

tcagcaagaa ctgcaacaac agc

23

<210> 6

<211> 20

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence  
artificielle:primer\_bind

<400> 6

gtgaggaaga tccagggcga

20

<210> 7  
 <211> 270  
 <212> ADN  
 <213> Homo sapiens

<400> 7  
 acctggcctc gtgcggctga gctggggcga gatcgatttg aatataaacct ggcgctttag 60  
 aggtgtattc cagctggaga aaaatggctg ctacagcact tctgggacgg aggcggctga 120  
 cctctgcaag gctttcaata gcaccttgcg cacaatggcg cagatggaga aagctctgag 180  
 catcggattc gagacctgca ggtatgggtt catagaaggc catctggctg tccccggat 240  
 ccaccccaac tccatctgtg cagcacaaca 270

<210> 8  
 <211> 90  
 <212> PRT  
 <213> Homo sapiens

<400> 8  
 Leu Cys Leu Val Pro Leu Ser Leu Ala Gln Ile Asp Leu Asn Ile Thr  
 1 5 10 15  
 Cys Arg Phe Ala Gly Val Phe His Val Gln Lys Asn Gly Arg Tyr Ser  
 20 25 30  
 Ile Ser Arg Thr Gln Ala Ala Asp Leu Cys Lys Ala Phe Asn Ser Thr  
 35 40 45  
 Leu Pro Thr Met Ala Gln Met Gln Lys Ala Leu Ser Ile Gly Phe Gln  
 50 55 60  
 Thr Cys Arg Tyr Gly Phe Ile Gln Gly His Val Val Ile Pro Arg Ile  
 65 70 75 80  
 His Pro Asn Ser Ile Cys Ala Ala Asn Asn  
 85 90